索引

_	—
マ	乛
ブ	ベ

7	ī
フ	1

数字
1-メチルシュードウリジン … 195
2-ニトロベンジル基 196
3^{\prime} poly (A) tail 194
4.5SH ···· 74, 77
4.5SH RNA 77
5′-3′エキソヌクレアーゼ XRN2
23
5'cap構造 ····· 193
和文
5
アクロセントリック染色体 134
アデノシンデアミナーゼ 77
アプタザイム 174
アプタマー 12, 174
アポトーシス 62
アミロイド 136
アレル特異的発現 17
アンチセンス lncRNA 148
アンチセンスオリゴヌクレオチド
77,99アンチセンス核酸・・・・・・ 186
(b) (c)
異常 RNA · · · · · 124
異常発現 117
遺伝子治療
遺伝子の新生 54
インシュレータータンパク質 105, 106
ウイルスセンサー 63
Nh. Nh. let et dell
液 - 液相分離 83, 98, 134
エキソンインクルージョン 188
エキソンスキップ 12,78
エキソントラッピング 190 エピジェネティックな転写制御
ユビンエイディック G 転 与 前 脚 135

塩化カルシウム 199
エンハンサー 102, 111
エンハンサーRNA 98
6
オーガナイザー 144
オーキシンデグロン法 107
オックスフォードナノポア
テクノロジーズ 36
オフターゲット作用 189
オンターゲット作用 189
6
界面
改良RNA 抽出法 ······ 45
化学合成 199
化学プロービング法 28
化学量論
核移行
核酸アプタマー 154
核スペックル 84
核内ストレス体 89
核マトリクス 109
カルバック・ライブラー距離 41
がん
環状RNA ······· 12, 127, 172, 182
€
機能性 ncRNA 探索 ······ 47
機能性 RNA 170
*** ** ** ** ** ** ** ** ** ** ** ** **
ギャップマー型 187
近接ライゲーション 28
グアニル酸転移酵素 199
クライオ電子顕微鏡 165
クラスエフェクト 189
クロスリンク(架橋) 28
クロマチンアクセシビリティ 70
(
ゲノム空間配置 68
原始遺伝子54

(2)
コア-シェル構造 83
酵素プロービング法 28
ゴノサイト期70
コヒーシン 103
コピー数異常 118
混合ガウスモデル 41
コンパートメント 111
63
細胞性粘菌 140
サイボーグ RNA ······· 154
_
シード領域 59
シグナルアラインメント法 41
試験管内転写反応 195
修飾核酸 194
シュードウリジン 10
腫瘍形成
少数細胞解析71
新規転写物47
親水性ドメイン 84
新生RNA 20
新生遺伝子54

スーパーエンハンサー 98
スプライシング 14,91
スポンジ機能 85
_
t
生殖細胞66
生体分子凝縮体 95
脊髄小脳変性症 31型 93
センス・アンチセンス転写物
選択的スプライシング 143
セントロメア15
€
挿入配列 163
相分離

疎水性 197	ハンマーヘッドリボザイム 183	リボザイム 133, 170, 183
f	O	リボスイッチ 174
多価性 8	非コードRNA (ncRNA) 95	リボソーム RNA 133
多価相互作用 82	非コード領域 116	リボソームプロファイリング
	ヒストン脱アセチル化酵素 111	(Ribo-seq) 9, 51
5	ヒストンメチル化酵素 112	リボヌクレアーゼ H 187
長距離クロマチン間相互作用 95		リン酸化 145
長鎖ノンコーディングRNA	非膜オルガネラ 9, 45, 80	ক্ত
(lncRNA) 80	3	
長鎖非コードRNA(lncRNA)… 20	- 福山型筋ジストロフィー 186	ループ – ループ相互作用 183
G	ブランチポイントアデノシン	るつぼ機能85
	(BPA) · · · · 182	1
低複雑性領域 82	ブリッジRNA 165	レトロトランスポゾン 148
テザリング・・・・・・・ 69	プレパキテン piRNA 70	レトロトランスポゾン配列 191
転移因子 15	- ブロック共重合体 83	
転写20	プロモーター 111	8
転写開始点21	分子コンデンセート 9	ロングリードシークエンス… 14 , 124
転写凝縮体97	分子スポンジ 128	ロングリードシークエンス技術
転写産物終了点 21	33 1 3 1 4 1 2 5	8, 14
転写調節 98		
転写抑制67	ベースコーラー36	
天然変性領域 10, 82, 98,131	ヘテロクロマチン 67, 109, 112,	
A	114, 135	
	ペリセントロメア92	A STANDAR (DC)
トポロジカルドメイン 96	(α - \forall λ - Δ
トランスポザーゼ 163		
トランスポゾン66, 163	ホスホロチオエート結合 188	adaptive sampling 16
トリエチレングリコールリンカー	ポリコーム群(PcG)タンパク質	ADAR 172
199	複合体	ADAR1 60, 77
(2)	ホリデイジャンクション中間体 167	age-related macular degeneration
内在性レトロウイルス 114		155
ナノポアシークエンサー 36	ポリヌクレオチド-5′-ホスファ	AGPC 試薬 · · · · · 43
難抽出性 11, 44	ターゼ	AI 174
難抽出性RNA-seg解析 ········· 45	ポリペプチド 50	<i>Alu</i>
難抽出性 RNA 調製 · · · · · · · 45	翻訳194	AMD 155
	∂ · Ø · Ø	ANRIL 120
	ミスマッチ塩基対 178	antisense oligonucleotide (ASO)
乳がん 98	ミセル化 83	
ヌードマウス 119	メチルイミダゾール 199	APEX2 86
ノンコーディング RNA 8	ユビキチン化・脱ユビキチン化	ARCA 195
ノンコーディングリピート病 91	120	architectural RNA (arcRNA)
		46, 81
	Ø	arcRNA 12, 46
パキテン piRNA 70	リードスルーRNA 25	Argonaute (AGO) 59, 67
パキテン期70	リコンビナーゼ 164	ASBEL 120
ハプロタイプフェージング 17	リピート関連非 ATG 依存性(RAN)	ASO 77
ハプロ不全症の治療 152	翻訳 178	
パラスペックル 82	リピート配列 8, 82, 90	В
晚期再発 98	リピート病 178	Barnase 173

Barstar 173	(B)	iMARGI 86
<i>BC1</i> ······ 74, 75		Integrator 複合体 ····· 24
BC1 RNA 75	E3リガーゼ 112	intron detention 92
<i>BC200</i> 74, 76	ELEANOR 12	IRES 171
BC200 RNA 76	enod40 143	IS110ファミリー因子 164
©	eRNA	IS110ファミリーリコンビナーゼ 164
cap 1 197	(3)	IS621因子 ······ 165
cap 2 ····· 197		IS621 リコンビナーゼ 165
capアナログ 195	FAPS 86	IS因子 ························· 164
cap 化反応 ······ 199	FCMD	15四十 104
CCAT1 122	Functional ANnoTation of the Mammalian Genome (FANTOM)	
cDNA シークエンス · · · · · · 15	国際プロジェクト ······ 149	k-mer解析 ····· 47
ChAR-seq 86		Lamin DamID-seq ····· 69
CHART 86	G	lamina-associated domain (LAD)
ChIRP 86	Gapmer 118	69
circular RNA ····· 127	<i>GAS5</i> ······ 121	<i>LED</i> 123
ciRS-7/CDR1as 129	Gaussian Mixture Model 41	let-7 57
CLK1 92	GENCODE 117	LGP2 62
CPA (cleavage and polyadenyla-	Genotype-Tissue Expression	<i>lincRNA-p21</i> 123
tion) 複合体 ······ 23	(GTEx) 16	lncRNA 20, 80, 116
Cre 166	glmSリボザイム 175	M
CRISPR/Cas9 140	GRID-seq 86	m ⁶ A 修飾 ····· 92
CTCF 103	GRO-seq (Global Run-On	m ⁶ A リーダータンパク質 93
Cyrano 127, 128	sequencing)法 ···········22	<i>MALAT1</i> 12, 122
D	<i>GUARDIN</i> 123	<i>MEG3</i> 123
	(B)	MELAS 40
DamID-seq 69	H19 · · · · 127	MERRF 40
DAPALR 141 dChIRP法 86	H2AK119ub ····· 112	microRNA (miRNA) ····· 57
	H3K27me3····· 112	<i>MILIP</i> 123
de novo DNA メチル化 70 Dicer 58	H3K9me3 · · · · 68	miRNA 10, 172
Dictyostelium discoideum ····· 144	Hi-C 96	miRNA 応答型 mRNA スイッチ
Direct RNA sequencing 36	HiC-seq 70	172
direct RNA(dRNA)シークエンス	hnRNPK 113	miRNA スポンジ 142
15	HNRNPファミリー 91	MLO 45
DMSO 199	<i>HOTAIR</i> 119	mRNA 193
DNA アプタマー 158	HRP 86	MUSIC 87
DNAハイドロキシメチル化 ··· 120	<i>HSAT</i> I 12, 89	
DoG	HSAT III lncRNA······ 85	N
Dorado 37	HSF1 92	N6-メチルアデノシン······· 112
downstream-of-gene transcript	HUSH (human silencing hub)	<i>N</i> ⁶ - メチルアデノシン (m ⁶ A) … 36
47	複合体 25	N7-メチル化酵素 199
Drosha 58	HyPro法 86	ncRNA 8, 28, 95
dsRBD 60	0	<i>NEAT1</i> 10
Dsx1 141	IAP (IAPEz-int) ······ 114	NET (Native Elongating
dutA 144	101 (101 PZ 101) 114	represent -cod =
aulA 144		Transcript)-seq法 ······ 23
ашА 144	icSHAPE法 150, 151 IFN応答 62	NEXT (nuclear exosome targeting) 複合体 ····································

NONCODE 117	RAP 86	SPOC (SPEN paralog ortholog
Nonsense mediated mRNA decay	RD-SPRITE ····· 86	C-terminal) ドメイン ······· 111
191	Red-C 86	SRSF ファミリー 91
<i>NORAD</i> ······10, 119, 127	Remora 37	STATa 144
NPボディ 131	Restrictor 複合体 ····· 25	structured small non-coding RNA
Nuclear Run-Onアッセイ 22	RIC-seq 86	(ssncRNA) 28
•	RIP 118	
O-MAP法 ······ 86	RISC 58	T2T ゲノム 8
ORF (open reading frame)	RNA pull-down 117	TAD96, 103
50 , 194	RNA-RNA 相互作用 ······ 28	<i>TARID</i> 120
•	RNA-seq 28	TDMD (target-directed
P 140	RNase H 187	microRNA degradation) ····· 128
p21 110	RNA アプタマー 155	Telomere-to-Telomere (T2T)
p53 123	RNA 医療 ····· 153	14
PACT 60	RNA 凝集体 ······ 180, 181	$Telomere-to-Telomere \ (T2T)$
PANDA 123	RNA クラウド 97	コンソーシアム ······ 15
PARIS 28, 86	RNA 結合タンパク質 81, 145	TES 21
PCA3 117	RNA 構造 ······ 150	tmRNA 27
PCATI 119	RNA シークエンシング 140	TNRC6 59
PCGEM1 117	RNA 修飾 ····· 35	Toehold スイッチ 170
phosphorothioate bond (PS結合)	RNA 修飾病 ······ 40	Tombo
	RNA 抽出法 ······ 43	TRBP 60
PIC法 87	RNA 毒性 ······ 178, 180	TREX 法 86
piRNA 11, 66	RNA 毒性モデル 91	TRIzol 44
PIWI 67	RNA 品質管理機構 17	tRNA 修飾 ····· 39
PIWI サブファミリータンパク質67	RNP (RNA-タンパク質複合体)	TT (Transient Transcript)-seq法
POINT (POlymerase Intact	83	22
Nascent Transcript)-seq法 … 23	Rosa26 127	0
PRC1 112	rRNA 29	U8 snoRNA 28
PRC2 112	6	<i>UPAT</i> 120
PRO (Precision nuclear Run-On)-	<i>SAMMSON</i> 119	UTR 194
seq法 22	SAT ~7 30	v · w
pseudoexon (偽エキソン) ······ 191	Sequential FISH/免疫染色 ····· 86	
<i>PTEN</i> 121	Shep 141	vsfold5
<i>PTENP1</i> 122	SINE B1 · · · · · 77	WGCNA
Pumilio 129	SINE-VNTR-Alu(SVA)型	Wnt/ β -catenin 経路 ········ 120
Pumilio 依存的 RNA 分解 ······ 130	レトロトランスポゾン 190	X · Z
<i>PURPL</i> 123	SINEUP 12, 148	<i>XIST</i> 10
<i>PVT1</i> ····· 119	siRNA 30	Xist · · · · 109
R	small ORF 52	<i>ZNNT1</i> 124
	sORF 143	
R-loop 23	SPEN 111	
RADICL-seq····· 86		