

索引

記号・数字

: . 1%	134
: , d	134
!	42
?	40
{}	42
*	98
/	174
//	174
/n	133
#	54
#%%	52
%	40
%lsmagic	40
%run	41
%time	40
%timeit	40
%%	41
%%bash	41, 235
%%time	41
%%timeit	41, 242
__len__()	136
__repr__()	136
χ二乗独立性の検定	295
10x Genomics	311, 418, 435

A

abs()	55
add_subplot()	277
AI	23
AIC	301, 303, 380
AIペアプログラミングツール	26
alpha	259
Anaconda	17, 172
and	91
anndata	413
anndata.concat()	419
annotate()	339
annotations	151
API	26
append()	67
apply()	
pandas.DataFrame の——	209, 239
pandas.Series の——	208
argsort()	410
array	57
array()	397
astype()	399
at	188
Automagic	40

Axes クラス	253
axis	403

B

bar()	269
Bash	41
batch_key	432
BCBioGFF	166
Benjamini-Hochberg 法	297, 298
BIC	380
Biopython	139, 227
biplot	339
Bokeh	250
Bonferroni 補正	297
boolean indexing	192
Box-Cox 変換	324
boxplot()	261
Brunner-Munzel 検定	287
built-in function	58

C

cDNA ライブライ	311
CDS	150, 160
ChatGPT	25, 28
Claude	25, 28
clustermap()	274, 367, 369, 370
columns	179
complete-linkage	368
CompoundLocation	170
concat()	197, 233, 318
conda activate	20
conda config	19
conda create -n	19
conda-forge リポジトリ	19
conda install	18
copy()	86
count()	222
CSV	312
cumsum()	183
Cursor	26

D

dataclass	138
datadir	315
DataFrame	172, 179, 229
DBSCAN	390, 391
db_xref	158
dbxrefs	141
DDBJ	149
deep copy	85
deepcopy()	87
def	96
DensMAP	363
DESeq2	301, 304, 305
df.std()	207
dict (辞書型)	80
dir()	128

dispersion parameter	305
divide()	239
doublet	319
drop()	196, 199
drop_duplicates()	203
dropna()	200
dtype	173

E

edgeR	301
Elbow method	380
elif	90
else	90
EMBL	149
ENA	149
entry	150
explained_variance_ratio_	341
extract()	156, 160

F

FAI ファイル	147
familywise error rate	297
FastaRecord	147
FASTA 形式	129
fastcluster	369
FDR	297
feature	150, 153, 160
features	141
fig.add_subplot()	277
figsize	372
Figure クラス	252
fillna()	201
fit_predict()	375
fit_transform()	333, 375
FLAG 情報	117
float64	173, 230
float 型	61
fold change	264
for	89, 212, 238, 317
format()	143
for ループ	212, 238
FPKM	237, 290
FPM	235
functions	55
f 文字列	134

G

GC 含量	130
Gemini	50
GenBank	140, 149, 150
gene	150
gene_id	170
Generative AI	23
get()	161
get_seq()	148
GFF	106, 163, 227
GFF3	106, 163

gffread	163
GitHub	34
GitHub Copilot	26, 29, 51
GMOD	163
Google Colaboratory	44, 45
GPU (Graphics Processing Unit)	45, 414
grid()	262
GridSpec()	279
gridspec.GridSpec()	279
groupby()	222
GTF	163, 170

H

HDBSCAN	390
head()	230
Hi-C 解析	329
highly_variable	425
hist()	257

I

iat	188
id()	83
IDE (Integrated Development Environment)	44
if	89
igraph	384, 388
IGV	165
iloc	191
immutable	75
import	99, 229
index	174, 179
index of dispersion	325
innerjoin	219
INSDC	149
int	61, 230
int64	173
interpolate()	202
items()	212, 239
iterrows()	212
IVIS	363

J

Jaccard 距離	366
JBrowse	163
Jensen-Shannon 距離	367
join()	216, 233
jointplot()	265
joyplot()	260
JoyPy	260
JupyterLab	44, 52
Jupyter Notebook	33, 54

K

KEGG	139
key	69, 80
key_added	430
keys()	147
keys...	419

<i>k</i> -means++	375
<i>k</i> -means クラスタリング	374
Kruskal-Wallis 検定	287
<i>k</i> 近傍グラフ	354, 380
<i>k</i> 平均法	374

L

label	419
lambda 式	72
LaTeX	37
leftjoin	219
legend()	264
leidenalg	384
Leiden クラスタリング	418
Leiden 法	383, 384, 430
len()	65, 136
lenged()	268
linkage()	247
linspace()	398
list()	63, 143
list (リスト)	63, 176, 396
LLM (Large Language Model)	23
loadtxt()	315
loc	188
location	150, 156
locus_tag	150, 160
Louvain 法	381

M

macOS	17
Maker	163
Mann-Whitney の U 検定	287
map()	207
Markdown セル	36
mask_var	426
MATLAB	254
Matplotlib	43, 247, 249, 423
matplotlib_venn	276
matrix balancing	329
Matrix Market Exchange Formats	314
MA プロット	263
MDS	344
mean()	183
merge()	218, 233
method (メソッド)	55, 58, 128
Metric MDS	344
min_dist	356
Miniconda	17, 33, 172
Miniforge	17, 33
mmread()	315
model	333
model.fit	333
model.transform	333
mRNA	164
multi FASTA	132
MultiIndex	220, 328
multiplet	319

multipletests()	297, 298
-----------------------	----------

N

N50	145
NaN	184, 200
natsort	73
natsorted()	73
NCBI	139
ndim	397
next()	140
NMDS	344
n_neighbors	355
n_obs	416
not	91
note	158
np.log()	205
np.log10()	205
np.log2()	205
np.round()	205
np.sqrt()	205
np.std()	207
np.var()	206
NP 困難	382
NumPy	172, 229, 242, 396, 412
numpy.abs()	337
numpy.arange()	401
numpy.argmax()	385
numpy.argsort()	337
numpy.array()	397
numpy.count_nonzero()	399
numpy.linspace()	398
numpy.loadtxt()	315
numpy.newaxis	400
numpy.ones()	398
numpy.partition()	385
numpy.zeros()	398
n_vars	416

O

object	174, 230
object-oriented インターフェース	253
obs	416, 419
observations	415
obsm	416
obsp	416
ones()	398
open()	104
or	91

P

PaCMAP	363
pairplot()	266
pandas	43, 172, 225
pandas.concat()	318
pandas.DataFrame()	316
pandas.DataFrame.drop()	318
pandas.DataFrame.to_csv()	328

pandas.DataFrame.to_pickle()	328
pandas.read_csv()	313, 315, 330
pandas.read_excel()	313
pandas.read_pickle()	331
PARC	390
partition()	385
PCA	331, 418, 426
PCG64	406
PCoA	344
pcolor()	273
PDB	139
pd.concat()	215
pd.DataFrame()	179
pdist()	384
pd.merge()	218
pd.read_clipboard()	181
pd.read_csv()	181, 199, 229
pd.read_excel()	181
pd.read_table()	181, 199, 229
Pearson 相関係数	292, 336
PHATE	363
pickle	328, 331
pip	33
pivot_table()	223
plot()	267, 268
Plotly	250
plt.figure()	255
plt.savefig()	255
plt.tight_layout()	278
print()	56
product	150, 158
pseudo	161
PyDESeq2	305
pyfaidx モジュール	147
Python	16
Python3	18
python-igraph	384
python-louvain	383
PyTorch	414, 431
p 値	286

Q

qc_vars	421
qualifier	150
q 値	298

R

range()	93
raw	424
Raw NBConvert セル	36
read_csv()	313
readline()	107
read_pickle()	331
RefSeq	149
remove()	68
rename()	231
repeat_region	150

replace()	58
rep_origin	150
reshape()	400, 401
return	97, 133
reverse_complement()	141
RNA-Seq	225, 251, 281, 301
round()	214
RPKM	237, 290
RPM	235

S

SAM ファイル	116
savefig()	255
Scanpy	310, 413, 418, 419, 421, 427, 435
scanpy.pl	418
scanpy.pp	418, 424
scanpy.pp.calculate_qc_metrics()	421
scanpy.pp.filter_cells()	423
scanpy.pp.neighbors()	433
scanpy.tl	418
scanpy.tl.leiden()	430
scanpy.tl.tsne()	428
scanpy.tl.umap()	429
scatter()	262, 333
scikit-learn	333, 350, 375
SciPy	247
scipy.cluster.hierarchy	368
scipy.io.mmread()	315
scipy.spatial.distance	367
sc.pl.pca()	426
sc.pp.neighbors	427
sc.pp.pca()	426
scRNA-Seq	309
sc.tl.tsne	428
scverse	413
scVI	414
scvi-tools	413
Seaborn	249, 423
seaborn.clustermap()	370
self	130
SeqFeature	154
SeqIO	140
SeqIO.index()	146
SeqIO.parse()	151
SeqIO.to_dict()	145
Series	173
Series.index	178
Serires.values	178
set	80
set_ticks()	261
set_xticklabels()	262
set_xticks()	262
Seurat	310
shallow copy	85
shape	230, 397
show()	253
silhouette coefficient	380

silhouette_samples()	380
SimpleLocation	156
sin()	398
single-linkage	368, 370
size	397
sklearn.cluster.DBSCAN	391
sklearn.cluster.KMeans	375
sklearn.decomposition.PCA	333
sklearn.metrics.silhouette_samples()	380
SNE	345
sort()	72
sorted()	68, 72
sort_index()	184
sort_values()	184
source feature	154
Spearman 相関係数	292
split()	128
squareform()	384
SRA データベース	226
state-based インターフェース	254
staticmethod	136
str	56, 176
str.rstrip()	108
sum()	183, 235, 399
summary()	303
swiss	140

T

T	403
TATA ボックス	121
toarray()	315
to_csv()	223, 328
to_pickle()	328
TPM	240, 290
TPU (Tensor Processing Unit)	45
train()	432
train_test_split()	361
Trajectory inference	435
transcript_id	170
translate()	141, 159, 160
translation	150, 159
transpose()	403
TriMap	363
try ~ except 構文	161
t-SNE	332, 342, 346, 418, 427
TSV	312
tuple (タプル)	75, 222
type()	59
Type 1 error	286
Type 2 error	286

U

UMAP	353, 376, 418, 429, 433
UniprotKB	140
uns	417
UPGMA	368
upper()	58, 128

urllib.parse	114
URL エンコーディング記法	107
URL デコード	113
use_rep	433

V

VAE	431
value	80
var()	207
var	416, 420
variables	415
variance-to-mean ratio	325
varm	416
varp	417
venn2()	276
venn3()	276
violinplot()	262
VMR	325
VScode (Visual Studio Code)	51

W

Wald 検定	307
weights	258
while	89, 94
with 構文	104
WSL2	17

X

X	416
X-means 法	380

Y

yield	133
-------	-----

Z

zeros()	398
ZINB	431
Z スコア	211

あ	
赤池情報量規準	303, 380
アクセッション番号	230
浅いコピー	85
アスタリスク	98
値	80
アトリビュート	397
アノテーション	149, 416
い	
異常値	318
位置情報	150
一般化線形モデル	301
イテラブル	93
イテレータ	93
遺伝子座位	150
遺伝子発現量行列	273
因子負荷量	332, 336
インスタンス	131, 253
インスタンス化	131, 253
インスタンス変数	131
インストール	33
インターフェース	253
インデックス	64, 146
インデックスファイル	147
オンラインコメント	54
う	
ウォード法	274, 368, 371
え	
エクソン	160
エピゲノム情報	310
エラー	318
エラーバー	272
エラーメッセージ	26
エントリ	150
お	
オートエンコーダ	391
オブジェクト	83, 127, 129, 415
オブジェクト指向	137
オミクス解析	310
か	
カーネル	34, 51
階級	257
改行コード	105
階層的クラスタリング	365, 369
解像度	255
階層ベイズモデリング	391
ガウス分布	285
カウントデータ	228
過学習	303
科学的可視化	308
書き込み	
ファイルの——	105, 114
確率的近傍埋め込み	
確率分布	283
確率変数	283
確率密度	283
確率密度関数	283
確率モデリング	307
可視化	249, 308
仮説検定	285
仮想環境	19
片側検定	287
カルバッカ・ライブラー情報量	345
間隔尺度	282
関数	26, 55, 96
関数化	236
観測値	311, 415
き	
キー	80
偽遺伝子	161
キーボードショートカット	37
機械学習	16, 327
帰無仮説	285, 286
教師なし学習	335
教師なし深層学習モデル	431
行マジック	40
行ラベル	179
距離行列	384
寄与率	332, 340, 341
近傍グラフ	380, 418, 427
く	
空間トランスクリプトーム	435
クオリティコントロール	318, 421
クオリファイア	150
鎖効果	371
組み合わせ爆発	382
組み込み関数	58
クラス	129
クラスタ	348, 364
クラスタ内分散	368
クラスタリング	247, 364, 380, 414, 418, 430, 434
クラスタ割り当て	382
グラフの保存	255
グラフ描画コード	27
クロネッカーのデルタ	381
群間の各カテゴリの検定	295
群間の全体像の検定	294
け	
経験ペイズ法	306
継承	137
系列データ	267
欠損値	184, 200
ゲノムアセンブリ	145
検定の区分	287

こ	
交差エントロピー	356
高次元データ	309
合成変数	309
酵母	226
コードセル	36
コードブロック	89
コスト関数	344
コドン表	160
コピー	85
コマンドパレット	39
コマンドモード	36
コミュニティ	381
コミュニティ検出アルゴリズム	381
コメント	54
混合分布モデル	391
コンストラクタ	130
さ	
最尤推定	301
散布図	262, 422
サンプリング	282, 283
サンプルサイズ	282
サンプル数	282
し	
ジェネレータ関数	133
シェルコマンド	41, 42
次元削減	330, 414, 426
自作関数	96
四捨五入	205
辞書	80, 145
辞書型 (dict)	80
辞書内包表記	146
実験計画	286
自動生成	
コードの——	27
四分位点	260
射影	332
尺度水準	282
集合演算	81
集合型	80
修正	
コードの——	27
主座標分析	344
主成分	332
主成分分析	331, 426
順序尺度	282
小数	61
常用対数	205
初期配置	374
シルエット係数	380
真偽値	399
シングルセル RNA シークエンス	309
シングルセル解析	308, 330, 413
人工知能	23
深層学習	391
す	
深層生成モデル	431
推測統計学	282
推定誤差	285
数値型	230
スコットの選択	257
裾の重い分布	324
スタージェスの公式	257
スチューデントの t 分布	346
スライス	66, 77, 176, 187
せ	
正規化	235, 258, 323, 424, 432
正規表現	121
正規分布	285
制御構文	89
制御文字	105
整数	61
生成 AI	23, 50
セキュリティ	28
セット	80
セル	34
セルマジック	41
ゼロ過剰負の二項分布	431
線グラフ	267
潜在変数	309
選択的推論	307
選択的スプライシング	164
そ	
相関係数	292
相対存在量	407
相補鎖変換	141
ソーシャルグラフ	381
ソート	68, 72
疎行列	314, 386
属性	131
た	
第一主成分	332
大規模言語モデル	23
対数化	251
対数変換	324, 418
対数尤度	303
第二主成分	332
代表点	374
対立仮説	285, 286
高次元空間上	380
多次元尺度構成法	344
多次元配列	401
多重検定	297
ダッシュボード	33, 34
タブ区切りテキスト	312
タプル (tuple)	75, 222
単位系	327
タンパク質配列	169

	ち
置換	58
著作権	28
	つ
積み上げ棒グラフ	271
	て
ディクショナリ	80
データ型	173
データクラス	138
データフレーム	179
テーブルデータ	308
テキストファイル	103
デコレータ	136
テストセット	361
デバッグ支援	27
転置	182
デンドログラム	247, 365
	と
統計的仮説検定	285, 301
透明度	259
遠さ	347, 348
ドキュメンテーション支援	27
特殊メソッド	128, 136
特微量	311, 332, 425
特微量選択	324, 425
特微量のスケール	327
度数	257
度数分布表	257
トピックモデル	391
トランスクリプトーム	309
トレーニングセット	361
	な
内包表記	94, 146
	に
二項分布	283
二次元配列	402
	の
ノイズ	318, 328
ノートブック	34
ノンパラメトリック検定	287
	は
パーサー	135
パース	135, 151
パープレキシティ	348, 352
バイオインフォマティクス	16
バイオリンプロット	262, 321, 422
バイナリファイル	104, 328
バイプロット	339
破壊的メソッド	184
箱ヒゲ図	260

派生クラス	137
発現変動遺伝子	243
発現量変動解析	304
バッチ	419
バッチ効果	429
パラメトリック検定	287
反証法	285
反復領域	150
汎用LLM	25
凡例	268
	ひ
ヒートマップ	273, 371
引数	128
非計量多次元尺度構成法	344
ヒストグラム	257
非線形次元削減手法	353
ビット演算子	117
非破壊的	196
非翻訳領域	165
評価関数	374
評価値	35
標準化	327
標準偏差	207
標本	282
比率尺度	282
ビン数	258
	ふ
ファイル型	104
ファイル形式	103
フィーチャー	150
フィルタリング	318, 421
深いコピー	85
複合データ型	63
複数グラフ	277
複製開始点	150
負の二項分布	301
プライバシー	28
フラットファイル	149
ブロードキャスト	182, 404
プログラミング特化型	25
ブロックコメント	55
プロット	418
プロットリー	250
プロット領域	252
分散	206
分散安定化	324
分散共分散行列	336
分散平均比	325
分子バーコード	311
	へ
ペアプロット	266
平均分散プロット	263
ペイズ情報量規準	380
平方根	205

平方根変換	324
ベクトル	400
ベルヌーイ試行	283
ヘルプ	40
編集モード	36
ベン図	276
変数	59, 415
変分オートエンコーダ	391, 431
 ほ	
ポアソン分布	284
棒グラフ	269
補完	
コードの——	27, 39
ボケ	250
母集団	282
保存	328
ボックスプロット	260
翻訳	141
翻訳領域	150, 165
 ま	
マークダウンセル	36
マイクロバイオーム解析	344
マジックコマンド	40, 213, 235
マシンスペック	16
マスク配列	402
マッチオブジェクト	124
 み	
ミトコンドリア遺伝子	319
 む	
無名関数	72
 め	
名義尺度	282, 309
メソッド	55, 58, 128
メソッドチェーン	58, 142, 204
メタ文字	121
 も	
モジュール	99
モジュラリティ	381, 382
文字列	56
モンテカルロ計算	410
 ゆ	
有意水準	286
ユークリッド距離	344, 366, 370
ユーザー定義関数	96
尤度	301
ユニバーサル関数	205
 よ	
要素の入れ替え	67
読み込み	
ファイルの——	105, 106
 ら	
乱数	406
ランダムアクセス	145
 り	
離散値	283
リスト (list)	63, 176, 396
リスト内包表記	94
リファクタリング支援	27
リポジトリ	19
両側検定	287
量的データ	257
隣接行列	386
 る	
累積寄与率	341, 349
 れ	
列ラベル	179
連結	67, 215
連続値	283
 ろ	
論理演算	91